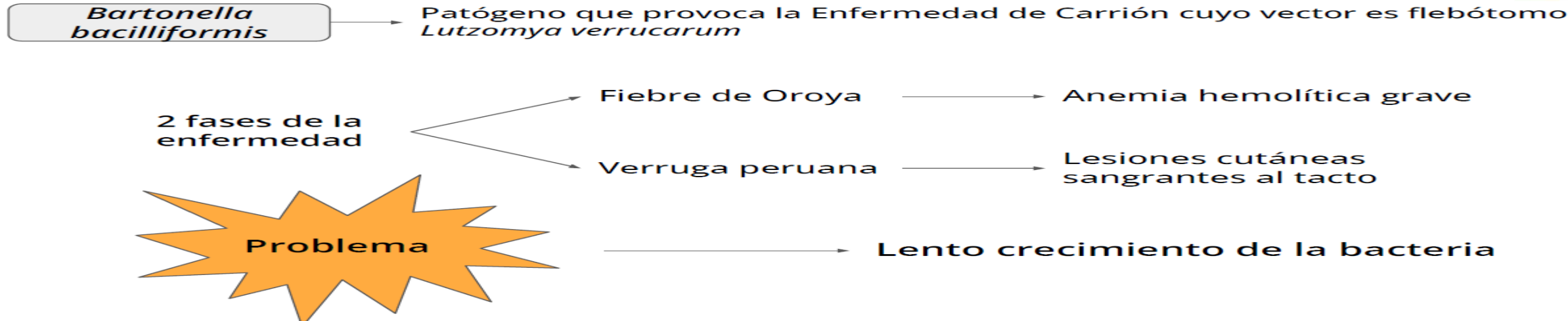


Búsqueda de vías de mecanismos de señalización molecular del péptido de Bartonella 1 (Bar 1) en la activación de la respuesta inmunitaria mediante el uso de herramientas informáticas.

- Trabajo de contenido científico-experimental
 - Tutora: Juan Tejedo Huamán
 - Área de Bioquímica y Biología Molecular
 - jrtejhua@upo.es

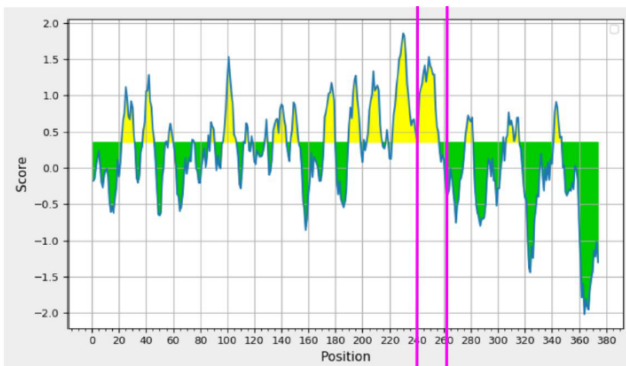
ANTECEDENTES



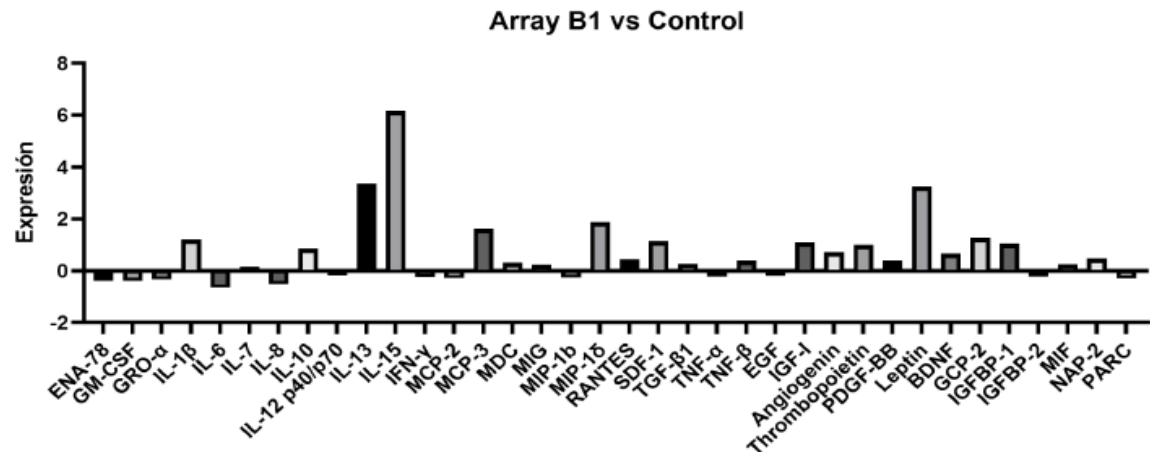
Resultados: Selección del Péptido



Péptido sintético → Región 240-261 de Flagelina



Predicción	Puntuación media de la región
BepiPred Linear	0.732404
BepiPred Linear 2.0	0.68228
Emini Surface Accessibility	1.884
Chou & Fasman Beta-Turn	0.95272
Parker Hydrophilicity	3.4698



ACTIVA MECANISMOS DE INFLAMACIÓN

OBJETIVOS

1. Modelar la estructura terciaria de Bar 1 y analizar sus características fisicoquímicas y estabilidad en solución fisiológica
2. Modelar la interacción de Bar 1 con dominios extracelulares de TLR2, TLR4/MD 20 y TLR3.
3. Predecir de efecto inmunológico mediante el análisis de similitud con péptidos que STAT 3/IL 10. Estudiar si Bar1 condiciona un perfil proinflamatorio o antiinflamatorio.
4. Estudiar en cultivos de MSC la señalización temprana de NF- κ B, MAP quinasas, IRF3, expresión de MyD88 y TRIF mediante técnicas bioquímicas.